




 D_0_Archaea:D_1_Thaumarchaeota:D_2_Soil Crenarchaeotic Group(SCG):D_3_Unknown Order


 D_0_Archaea:D_1_Thaumarchaeota:D_2_Soil Crenarchaeotic Group(SCG):D_3_uncultured archaeon


 D_0_Archaea:D_1_Thaumarchaeota:D_2_Soil Crenarchaeotic Group(SCG):D_3_uncultured euryarchaeote


 D_0_Archaea:D_1_Thaumarchaeota:D_2_Soil Crenarchaeotic Group(SCG):Other


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Blastocatellia:D_3_Blastocatellales


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Holophagae:D_3_Holophagales


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Holophagae:D_3_Subgroup 10


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Holophagae:D_3_Subgroup 7


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Solibacteres:D_3_Solibacteriales


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 17:Ambiguous_taxa


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 17:D_3_uncultured Acidobacteria bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 17:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 22:Ambiguous_taxa


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 22:D_3_uncultured Acidobacteria bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 22:D_3_uncultured bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 22:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 5:D_3_uncultured bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 5:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 6:Ambiguous_taxa


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 6:D_3_uncultured Acidobacteria bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 6:D_3_uncultured bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 6:D_3_uncultured organism


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 6:D_3_uncultured soil bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 6:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:Other:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Acidimicrobia:D_3_Acidimicrobiales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Actinomycetales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Actinopolysporales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Bifidobacteriales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Corynebacteriales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Elev-16S-976


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Frankiales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Glycomycetales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Kineosporiales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Micrococcales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Micromonosporales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_PeM15


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Propionibacteriales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Pseudonocardiales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Streptomycetales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:D_3_Streptosporangiales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Coriobacteriales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_MB-A2-108:Ambiguous_taxa


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_MB-A2-108:D_3_uncultured bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_MB-A2-108:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Nitriiliruptoria:D_3_Euzebyales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Nitriiliruptoria:D_3_Nitriiliruptorales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Nitriiliruptoria:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_OPB41:D_3_uncultured bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Rubrobacteria:D_3_Rubrobacteriales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_TakashiAC-B11:D_3_uncultured Actinomycetales bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_TakashiAC-B11:D_3_uncultured actinobacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_TakashiAC-B11:D_3_uncultured bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_TakashiAC-B11:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Thermoleophilales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Thermoleophilales


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Thermoleophilales:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:Other:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Armatimonadetes:D_2_Armatimonadia:D_3_Armatimonadales


 D_0_Bacteria:D_1_Armatimonadetes:D_2_Fimbrilimonadia:D_3_Fimbrilimonadales


 D_0_Bacteria:D_1_Armatimonadetes:D_2_uncultured:D_3_uncultured bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_BRC1:D_2_uncultured bacterium:D_3_uncultured bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_BRC1:Other:Other


 D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Bacteroidetes BD2-2:D_3_uncultured bacterium


 D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Bacteroidetes Incertae Sedis:D_3_Order II

 D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Bacteroidia:D_3_Bacteroidales

 D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Cytophagia:D_3_Cytophagales

 D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Flavobacteriales

 D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Sphingobacteriales

 D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Chlamydiae:D_3_Chlamydiales